

**IES PERE MARIA ORTS I BOSCH**

**CICLOS FORMATIVOS DE GRADO SUPERIOR**



**Familia Profesional: Informática y Comunicaciones**

**RED SOCIAL PARA DESEMPLEADOS “OFFICIUM”**

Alumno: Leobardo Salvador Ríos Suarez

**IES PERE MARIA ORTS I BOSCH**

**CICLOS FORMATIVOS DE GRADO SUPERIOR**



**Familia Profesional: Informática y Comunicaciones**



**PROYECTO DE FIN DE CICLO**

**Desarrollo de Aplicaciones Web**

**RED SOCIAL PARA DESEMPLEADOS “OFFICIUM”**

**AUTOR: Leobardo Salvador Ríos Suárez**

**TUTOR: Juan Bautista Pérez Mingot**

**Benidorm, Alicante, 17 de abril de 2020**

(PÁGINA/S PARA ÍNDICE O TABLA DE CONTENIDO, LISTA DE FIGURAS, LISTA DE MÁGENES, LISTA DE TABLAS)

# Índice

Contenido

[Índice i](#_Toc101129010)

[Resumen / Abstract ii](#_Toc101129011)

[1. (Apartado 1) Introducción. 2](#_Toc101129012)

[2. (Apartado 2) 4](#_Toc101129013)

[2.1. (Apartado 2.1 es un título largo para ver cómo quedaría en varias líneas) 4](#_Toc101129014)

[2.1.1. (Apartado 2.1.1 es un título largo para ver cómo quedaría en varias líneas) 4](#_Toc101129015)

[2.1.1.1. (Apartado 2.1.1.1 es un título largo para ver cómo quedaría en varias líneas) 4](#_Toc101129016)

[2.1.1.1.1. (Apartado 2.1.1.1.1 es un título largo para ver cómo quedaría en varias líneas) 4](#_Toc101129017)

[3. (Apartado 3) 6](#_Toc101129018)

[4. (Apartado 4) 8](#_Toc101129019)

[5. (Apartado 5: Ejemplo bibliografía) 10](#_Toc101129020)

[6. (Apartado 6) 12](#_Toc101129021)

(PÁGINA/S PARA RESUMEN Y SUMMARY DEL PROYECTO)

Red Social para Desempleados “OFICCIUM”

Proyecto Final |Desarrollo de Aplicaciones Web | 2 DAW

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
|  |  | Leobardo Salvador Ríos Suárez  sr.leobardo@gmail.com |
|  |  |  |

**IES Pere María Orts i Bosch, Desarrollo de Aplicaciones Web, 2º DAW**

***Resumen***

Plataforma tecnológica que actúa como un instrumento de gestión avanzado de recursos humanos para las empresas, y ofrece una serie de servicios online para la búsqueda activa de empleo de los candidatos al puesto de trabajo.

*Palabras Clave:* SNP, mutación, polimorfismo, SARS-CoV-2

***Abstrac***

***Ç-0***

**0The rapid spread of SARS-Cov-2 and its effects on the world population has made research and sequencing of this virus necessary, since it is necessary to know its mutation pattern in order to develop new defense techniques for public health. One way to know the mutation pattern of the virus would be to study its polymorphisms (SNPs). The massive genomic sequencing that has been carried out around the world has made it possible to detect new SARAS-CoV-2 variants that share common mutations that have arisen independently. Some of these changes may provide a phenotypic advantage to the virus. As the various polymorphisms and the properties they confer on the virus are studied, phenotypic aspects could be deduced, as well as the risk they may pose to the public. Using different tools such as bwa, samtools, bcftools and SNPer, it has been possible to verify that SARS-CoV-2 conserves those mutations that provide them with some advantage. A high rate of mutations has been observed in ORF1ab, on those genes that perform functions related to viral mRNA replication and transcription, as well as the N and S genes related to virion release and virion binding to the host cell. All the observations made indicate that the virus is in an adaptive period to a new host.**

1. **Introducción**

El síndrome respiratorio agudo severo coronavirus 2 (SARS-CoV-2) se observó por primera vez en Wuhan, China, a finales de 2019 (Weiner et all. 2021, Zhu et all. 2020). Se propagó rápidamente a Europa, los Estados Unidos (EE. UU.) y el resto del mundo, manifestándose como enfermedad por coronavirus 2019 (COVID-19) (Wu et all. 2020).

Desde el inicio de la pandemia se ha descrito un espectro clínico llamativo entre los pacientes con COVID-19. Algunos pacientes permanecen asintomáticos, otros pueden convertirse en "súper propagadores" o "súper emisores" (Asadi et all. 2019), mientras que otros tienen un curso clínico grave que conduce a una falla respiratoria o multiorgánica con un resultado potencialmente letal (Amano et all. 2021). Se han descrito varios factores de riesgo clínicos para el curso clínico grave, como la edad, la diabetes, la hipertensión y la obesidad (Wu et all. 2020, Amano et all. 2021). A nivel

1. (Apartado 1) Introducción.

Subtitulo de la introducción

Aquí va la introducción.

1. (Apartado 2)
   1. (Apartado 2.1 es un título largo para ver cómo quedaría en varias líneas)
      1. (Apartado 2.1.1 es un título largo para ver cómo quedaría en varias líneas)
         1. (Apartado 2.1.1.1 es un título largo para ver cómo quedaría en varias líneas)
            1. (Apartado 2.1.1.1.1 es un título largo para ver cómo quedaría en varias líneas)
2. (Apartado 3)
3. (Apartado 4)
4. (Apartado 5: Ejemplo bibliografía)

[Identificador] Inicial Nombre 1er Autor. Apellido 1º Autor, Inicial Nombre 2º Autor. Apellido 2º. Autor, , ... y Inicial Nombre Último Autor. Apellido Último Autor, *Nombre Completo del Libro en cursiva*. Ciudad de edición: Editorial, Año.

1. (Apartado 6)